

_Sample	A1	A2	B	C1	C2	C3	D1	D2	E	F	G	H	J1	J2	J3	K	L	M
Acidaminococcaceae	0.94	1.42		1.70	0.73	0.54	0.67	2.63	0.15		1.03		0.57	0.15	0.69	0.53	1.00	1.37
Actinomycetaceae	0.62			0.43	0.25	<.01				<.01								0.07
Aerococcaceae					0.13	<.01							0.02					
Anaeroplasmataceae										0.01						<.01	<.01	
Bacillaceae					2.90	0.06				<.01								
Bacteroidaceae	0.86	0.72	0.73	2.73	1.33	1.54	1.22	0.18	2.32	0.63	0.77		0.37	2.99	2.17	1.04	0.78	2.06
Bifidobacteriaceae				0.54	4.56	1.32	0.26	0.79	0.03	0.16	0.05	0.03	0.59	<.01	0.04	0.00	2.84	
Brevibacteriaceae	0.01																	<.01
Caldicoprobacteraceae										0.08			0.19					
Campylobacteraceae	0.16				<.01													
Carnobacteriaceae													0.99		0.01			<.01
Catabacteriaceae					0.24	0.11					0.05							0.07
Clostridiaceae	0.99	1.00	2.06	0.36	2.74	0.81	1.20	0.26	0.27	2.47	0.37	1.14	3.76	0.20	0.14	0.92	1.41	0.34
Clostridiales Family XI. Incertae Sedis	1.05	0.03	<.01	0.50	0.21	<.01					<.01	<.01	0.98		<.01	0.07	0.08	
Clostridiales Family XIII. Incertae Sedis	3.55	0.30	0.51	2.69	0.39	0.43			0.07	0.72	0.04	0.24				0.40	0.41	2.79
Comamonadaceae											<.01							0.08
Coriobacteriaceae	0.36	1.24	1.70		0.38	0.43	0.23			0.67	0.60	0.81	2.57	0.04	0.06	0.74	1.52	0.31
Corynebacteriaceae	0.61	<.01	0.01	1.48	1.71	0.02		<.01				<.01				0.03	0.22	<.01
Desulfovibrionaceae	0.57	0.48	2.70	0.64	1.35	2.06	0.87		0.31	2.27	0.35	0.33	0.51	<.01	0.17	0.35	0.51	0.26
Enterobacteriaceae	0.50	0.16	0.50	14.25	0.23	1.29		0.18		4.25	0.02	0.05	0.04	<.01	0.67	0.01	0.02	0.09
Enterococcaceae								0.02	<.01		0.01							0.43
Erysipelotrichaceae	0.81	1.01	1.90	0.52	0.32	0.19	0.32	0.72	0.38	1.75	0.61	0.40	2.98	0.20	0.76	0.81	2.15	0.39
Eubacteriaceae		0.16			0.22	0.37	0.15			0.20								0.09
Fibrobacteraceae									0.01	0.06								0.03
Flavobacteriaceae	0.49	1.29	1.95					1.32						0.04		0.29	2.05	
Lachnospiraceae	0.83	0.98	1.24	0.37	0.52	0.35	1.77	0.96	0.59	0.68	1.37	1.21	2.69	0.59	0.49	0.81	1.57	0.29
Lactobacillaceae	0.06	0.12	0.02	1.10	0.39	0.18	0.03	0.07		0.61	0.04	0.20	0.52	0.04	0.08	0.18	0.26	0.17
Lepytotrichiaceae																		<.01
Leuconostocaceae															0.02		<.01	
Mycobacteriaceae	<.01														<.01			
Neisseriaceae													<.01					
Oscillospiraceae	0.36		1.14	29.51	1.00	7.25	1.33	0.09	0.82	0.52	0.49	1.50	0.48		0.42	0.35	0.29	5.67
Oxalobacteraceae	0.61	0.34							0.31	0.24	0.04					0.05		
Pasteurellaceae	0.10							0.92	<.01	<.01	<.01		0.15		0.29	<.01		
Peptococcaceae	0.54	0.06	0.31		0.16	0.11		0.11		0.04	0.11	0.13					0.08	0.11
Peptostreptococcaceae	3.69		0.44	0.95	1.20	0.75	0.07	0.15	0.27	1.15	2.72	0.24	<.01		0.03	0.61	0.77	0.12
Porphyromonadaceae	1.76	0.86	0.43	0.96	2.12	1.20	0.44	0.09	0.93	0.80	0.59	0.55	2.23		2.62	0.81	0.29	0.93
Prevotellaceae	0.80		<.01		0.06	<.01		2.47		0.13					0.00	0.03	0.38	
Propionibacteriaceae																		<.01
Pseudomonadaceae															0.00			
Rhodospirillaceae	0.27		4.38						0.58	0.11	0.12	1.64				2.34	0.06	
Rikenellaceae	0.78	1.79		1.94	1.44	2.67	0.29	0.02	0.68	1.84	0.18	0.85	0.09		0.18	1.00	0.42	5.78
Ruminococcaceae	0.98	0.98	0.30	0.09	0.42	0.11	0.35	2.16	0.98	1.03	0.80	1.55	0.13		0.82	1.72	0.38	0.98
Staphylococcaceae																		<.01
Streptococcaceae	1.01	0.16	0.18	0.04	0.64	0.02	0.59	1.15	0.09	0.63	0.06	0.06	0.44	0.00	2.06	0.10	0.74	0.08
Sutterellaceae		0.50		0.01	0.04	0.02		4.38	0.55		0.40	0.73	0.57		4.16	1.47	0.10	

Synergistaceae	0.01	0.10							0.10	0.00						
Thermoanaerobacteraceae	0.08		0.28					0.22	0.91					0.08		
Thermodesulfobiaceae									0.04							
Veillonellaceae	0.10 < .01		1.07 < .01		0.03 < .01		0.14	0.15	1.19	1.23	1.00	0.05	0.16	0.01	0.02	0.61
Verrucomicrobiaceae	0.68	1.04	1.05	14.36	1.85	13.06	0.01	1.12	1.64	4.16	0.08		0.00		0.01	0.71
Victivallaceae									0.17							